

Traitement avancé des données biologiques (HMBE102M)

Pré-requis :

- Ce module s'adresse aux étudiants ayant une formation de base en statistiques (statistiques descriptives : notions de moyenne, variance, intervalle de confiance)
- L'objectif premier de ce module n'est pas de démontrer des lois, mais de permettre aux étudiants d'atteindre une certaine autonomie et un certain recul par rapport à l'outil statistique (modèle linéaire et ces extensions) et au traitement de jeux de données biologiques.

Contenu:

- L'enseignement repose sur le modèle linéaire, c'est à dire sur des modèles qui envisagent des variables pour expliquer des patrons biologiques (tolérance ou non par rapport à une substance, succès d'un vaccin, répartition spatiale et adaptation du phénotypique ...etc.)

Responsables : fabien leprieur (fabien.leprieur@umontpellier.fr) et Bastien Mérigot (bastien.merigot@umontpellier.fr)

ECTS: 5

Nombre d'heures d'enseignement : 18h CM ; 12h TD ; 21h TP

Modalités de contrôle des connaissances :

CC 100%, 2 sessions